CBT

> dic(D1$tanque, # Tratamentos

+ D1$cbt, # Vari?vel resposta

+ quali = TRUE, # Define que s?o tratamentos qualitativos

+ mcomp = "tukey", # Define o teste de compara??o de m?dias

+ sigT = 0.05, # Define o nivel de signific?ncia do teste para m?dias

+ sigF = 0.05 # Define o nivel de signific?ncia do teste F

+ )

------------------------------------------------------------------------

Quadro da analise de variancia

------------------------------------------------------------------------

GL SQ QM Fc Pr>Fc

Tratamento 10 13549693 1354969 0.63307 0.78309

Residuo 121 258977135 2140307

Total 131 272526828

------------------------------------------------------------------------

CV = 236.31 %

------------------------------------------------------------------------

Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )

Valor-p: 2.766424e-19

ATENCAO: a 5% de significancia, os residuos nao podem ser considerados normais!

------------------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------------------

Teste de homogeneidade de variancia

valor-p: 0

ATENCAO: a 5% de significancia, as variancias nao podem ser consideradas homogeneas!

------------------------------------------------------------------------

De acordo com o teste F, as medias nao podem ser consideradas diferentes.

------------------------------------------------------------------------

Niveis Medias

1 1 447.0833

2 10 948.1667

3 11 1062.7500

4 12 1247.3333

5 2 445.3333

6 3 301.6667

7 4 730.4167

8 5 494.2500

9 7 258.3333

10 8 288.0000

11 9 586.7500

CCS

> dic(D1$TRAT, # Tratamentos

+ D1$ccs, # Vari?vel resposta

+ quali = TRUE, # Define que s?o tratamentos qualitativos

+ mcomp = "tukey", # Define o teste de compara??o de m?dias

+ sigT = 0.05, # Define o nivel de signific?ncia do teste para m?dias

+ sigF = 0.05 # Define o nivel de signific?ncia do teste F

+ )

------------------------------------------------------------------------

Quadro da analise de variancia

------------------------------------------------------------------------

GL SQ QM Fc Pr>Fc

Tratamento 10 23753785 2375378 1.8762 0.054835

Residuo 121 153189926 1266032

Total 131 176943711

------------------------------------------------------------------------

CV = 95.53 %

------------------------------------------------------------------------

Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )

Valor-p: 7.452896e-15

ATENCAO: a 5% de significancia, os residuos nao podem ser considerados normais!

------------------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------------------

Teste de homogeneidade de variancia

valor-p: 1.408888e-09

ATENCAO: a 5% de significancia, as variancias nao podem ser consideradas homogeneas!

------------------------------------------------------------------------

De acordo com o teste F, as medias nao podem ser consideradas diferentes.

------------------------------------------------------------------------

Niveis Medias

1 1 1208.1667

2 10 820.6667

3 11 829.0000

4 12 641.6667

5 2 883.0833

6 3 1359.0833

7 4 1792.4167

8 5 1373.6667

9 7 2081.4167

10 8 1068.0000

11 9 899.4167

------------------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------------------

CBT Corrigido para raiz de CBT

TRAT REP cbt ccs rcbt rccs

1 1 1 881 453 29.681644 21.28380

2 1 2 2 161 1.414214 12.68858

3 1 3 250 1818 15.811388 42.63801

4 1 4 179 474 13.379088 21.77154

5 1 5 11 905 3.316625 30.08322

6 1 6 90 720 9.486833 26.83282

> dic(D1$TRAT, # Tratamentos

+ D1$rcbt, # Vari?vel resposta

+ quali = TRUE, # Define que s?o tratamentos qualitativos

+ mcomp = "tukey", # Define o teste de compara??o de m?dias

+ sigT = 0.05, # Define o nivel de signific?ncia do teste para m?dias

+ sigF = 0.05 # Define o nivel de signific?ncia do teste F

+ )

------------------------------------------------------------------------

Quadro da analise de variancia

------------------------------------------------------------------------

GL SQ QM Fc Pr>Fc

Tratamento 10 1451 145.06 0.51564 0.87639

Residuo 121 34041 281.33

Total 131 35492

------------------------------------------------------------------------

CV = 89.63 %

------------------------------------------------------------------------

Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )

Valor-p: 3.048485e-12

ATENCAO: a 5% de significancia, os residuos nao podem ser considerados normais!

------------------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------------------

Teste de homogeneidade de variancia

valor-p: 1.662133e-05

ATENCAO: a 5% de significancia, as variancias nao podem ser consideradas homogeneas!

------------------------------------------------------------------------

De acordo com o teste F, as medias nao podem ser consideradas diferentes.

------------------------------------------------------------------------

Niveis Medias

1 1 16.82338

2 10 21.79235

3 11 20.95529

4 12 23.62812

5 2 16.47757

6 3 14.30477

7 4 22.97639

8 5 18.93898

9 7 14.66941

10 8 14.69887

11 9 20.59103

CCS Corrigido para raiz de CCS

> dic(D1$TRAT, # Tratamentos

+ D1$rccs, # Vari?vel resposta

+ quali = TRUE, # Define que s?o tratamentos qualitativos

+ mcomp = "tukey", # Define o teste de compara??o de m?dias

+ sigT = 0.05, # Define o nivel de signific?ncia do teste para m?dias

+ sigF = 0.05 # Define o nivel de signific?ncia do teste F

+ )

------------------------------------------------------------------------

Quadro da analise de variancia

------------------------------------------------------------------------

GL SQ QM Fc Pr>Fc

Tratamento 10 4356.2 435.62 2.5793 0.0072478

Residuo 121 20435.6 168.89

Total 131 24791.8

------------------------------------------------------------------------

CV = 41.3 %

------------------------------------------------------------------------

Teste de normalidade dos residuos ( Shapiro-Wilk )

Valor-p: 1.755734e-06

ATENCAO: a 5% de significancia, os residuos nao podem ser considerados normais!

------------------------------------------------------------------------

------------------------------------------------------------------------

Teste de homogeneidade de variancia

valor-p: 0.05029368

De acordo com o teste de bartlett a 5% de significancia, as variancias podem ser consideradas homogeneas.

------------------------------------------------------------------------

Teste de Tukey

------------------------------------------------------------------------

Grupos Tratamentos Medias

a 7 41.09708

a 4 41.06148

ab 3 35.86689

ab 5 35.32058

ab 1 30.21127

ab 8 29.5737

ab 9 28.51751

ab 2 28.4887

ab 10 26.87235

ab 11 26.06687

b 12 23.03998

------------------------------------------------------------------------